

## **GREAT : Genomic BRCA and Extensive ovArian cancer Testing**

**Etude de cohorte pour évaluer les caractéristiques cliniques des patientes atteintes d'un cancer épithélial de l'ovaire en fonction de la présence dans la tumeur d'une mutation BRCA ou d'anomalies génomiques et moléculaires au-delà de BRCA**

**Phase :** Sans

**Type d'essai :** Académique / Institutionnel

**Etat de l'essai :** Ouvert

### **Objectif principal**

---

Evaluer les caractéristiques cliniques et évolutives des patientes en fonction de la présence d'une mutation de BRCA1 ou BRCA2 ou d'anomalies biologiques tumorales au-delà de BRCA susceptibles d'avoir un impact thérapeutique.

### **Objectifs secondaires**

---

Evaluer la prise en charge dans la vraie vie des patientes incluses dans le projet et notamment le type de test BRCA réalisé (tumoral et/ou germlinal).

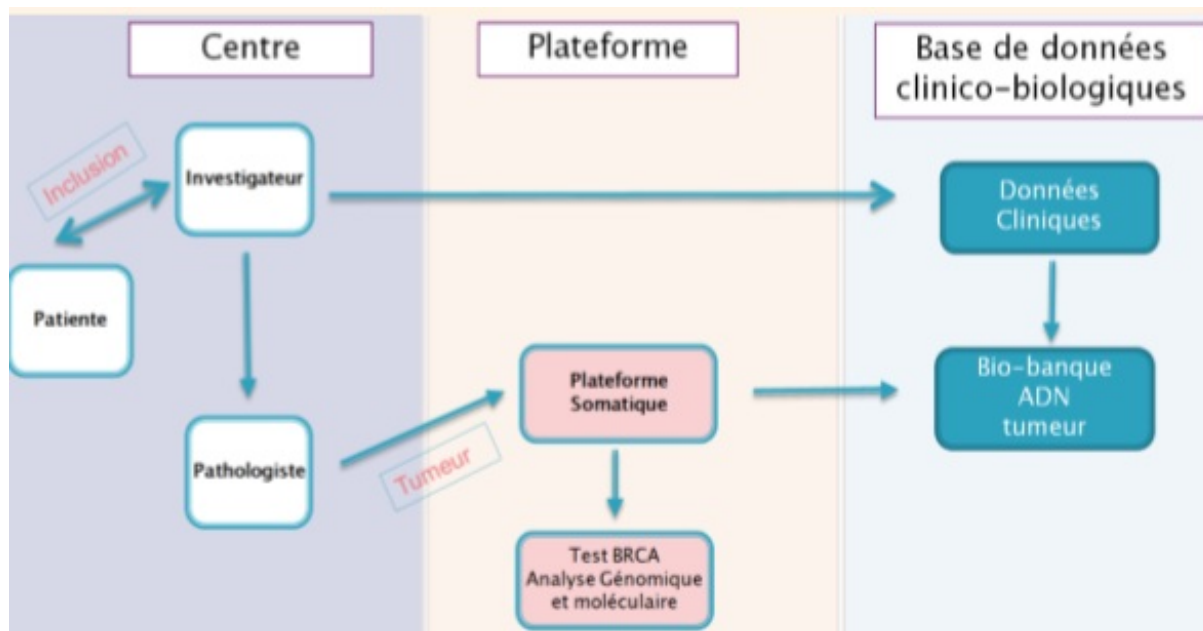
Evaluer la mise en place du circuit de test tumoral BRCA recommandé par l'INCa pour les patientes au diagnostic.

Participer au développement de futures thérapeutiques dans le cancer de l'ovaire en constituant une banque d'échantillons tumoraux qui permettront la mise en œuvre ultérieure de recherches exploratoires transversales.

### **Résumé / Schéma de l'étude**

---

Il s'agit d'une étude de cohorte observationnelle prospective multicentrique chez des patientes présentant un carcinome de l'ovaire et/ou péritonéal primitif et/ou des trompes de Fallope, histologiquement confirmé, de stade avancé au diagnostic (stade III à IV classification FIGO de 2014).



## Critères d'inclusion

---

- 1 Patiente âgée de 18 ans et plus.
- 2 Patiente présentant un carcinome de l'ovaire et/ou péritonéal primitif et/ou des trompes de Fallope, histologiquement confirmé, de stade avancé au diagnostic (stade III à IV classification FIGO de 2014).
- 3 Patiente en première ligne thérapeutique.
- 4 Echantillon tumoral fixé en formol et inclus en paraffine (FFPE) disponible : en pré-chimiothérapie dans la mesure du possible et comportant une surface tumorale suffisante, avec une cellularité finale d'au moins 20 %.
- 5 Identification d'une plateforme de génétique moléculaire des cancers et d'une équipe d'onco-généticiens travaillant en collaboration avec l'équipe de l'investigateur.
- 6 Patiente acceptant que ses données soient collectées et soumises à un traitement automatisé.
- 7 Patiente bénéficiant de la sécurité sociale.

## Critères de non-inclusion

---

- 1 Patiente présentant une tumeur épithéliale de l'ovaire mucineuse.
- 2 Patiente enceinte ou allaitante.
- 3 Patiente faisant l'objet d'une mesure de protection légale ou hors d'état d'exprimer leur consentement.

## Calendrier prévisionnel

---

Lancement de l'étude : Décembre 2019  
 Fin estimée des inclusions : Décembre 2024  
 Nombre de patients à inclure : 4500

## Etablissement(s) participant(s)

---

## **> AP-HM - Centre Hospitalier Universitaire Nord**

(13) BOUCHES-DU-RHÔNE

Dr. Marjorie BACIUCHKA-PALMARO  
Investigateur principal

## **> Institut Paoli-Calmettes (IPC)**

(13) BOUCHES-DU-RHÔNE

Dr. Renaud SABATIER  
Investigateur principal

## **> Institut Sainte-Catherine (ISC)**

(84) VAUCLUSE

Dr. Julien GRENIER  
Investigateur principal

## **Coordonnateur(s)**

---

Dr. Thibault De la Motte Rouge  
Centre Eugène Marquis - CLCC Rennes  
**Email** : [t.delamotterouge@rennes.unicancer.fr](mailto:t.delamotterouge@rennes.unicancer.fr)

## **Promoteur(s)**

---

### **ARCAGY-GINECO**

Mme Aurélie CHABANON  
Chef de Projet

Email : [achabanon@arcagy.com](mailto:achabanon@arcagy.com)

*Dernière mise à jour le 16 janvier 2020*

---

< PRÉCÉDENT

RETOUR AUX RÉSULTATS

SUIVANT >